ПЕРСОНАЛИЗИРОВАННАЯ МЕДИЦИНА:

значения для проведения клинических исследований и клинической фармакологии

д.м.н., проф. Сычев Д.А., д.м.н., проф. Журавлева М.В. академик РАМН, проф. Кукес В.Г.

Научный центр экспертизы средств медицинского применения МЗ (Ген. Директор, проф. Миронов А.Н.), Москва, Россия

Предпосылки...

Современная фармакотерапия не безопасна!

- 2 миллиона серьезных НПР ежегодно
- 100-240 тысяч смертей от НПР ежегодно
- НЛР выходят на 4-6 место по причинам смертности
- 10-16% госпитализаций приходится на НПР
- 136 миллиардов \$ тратится на лечение НПР ежегодно
- 10-20% расходов, идущих на здравоохранение тратиться на лечение пациентов с НПР





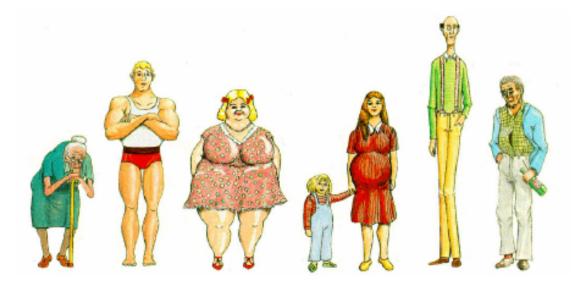
FDA, 2001-2007 WHO, 2005-7

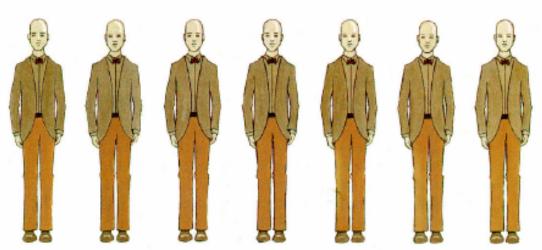
Современная фармакотерапия не достаточна эффективна!

PATIENTS CAN RESPOND DI	FFERENTLY	TO THE SAME MEDICINE		
HYPERTENSION DRUGS ACE Inhibitors	10-30%	ATATATATA		
HEART FAILURE DRUGS Beta Blockers	15-25%	*******		
ANTI-DEPRESSANTS	20-50%	*******		
CHOLESTEROL DRUGS Statins	30-70%	*******		
ASTHMA DRUGS Beta-2-agonists	40-70%	********		
Percentage of the patient population for which any particular drug is ineffective				

Суть...

Все люди разные и на лекарства они реагируют по-разному. Персонализация фармакотерапии необходима?





Institute for Clinical Pharmacology, Karolinska-Institute, Huddinge, Sweden





персонализированная медицина?

ПМ- это подход к оказанию медицинской помощи на основе индивидуальных характеристик пациентов для чего они должны быть распределены в подгруппы в зависимости от предрасположенности к болезням и ответу на то или иной вмешательства.

При этом профилактические и лечебные вмешательства должны быть применены у тех у кому они действительно пойдут на пользу, буду безопасны и приведен к экономии затрат.

http://www.personalizedmedicinecoalition.org/about

What is Personalised Medicine?

THERAPEUTIC NEED



INNOVATIVE MEDICINES



PATIENT-TARGETED THERAPIES Right Medicine



Right Patient



Right Disease



Right Time



Right Dose



Right Response



«Инструменты» персонализированной медицины: биомаркеры

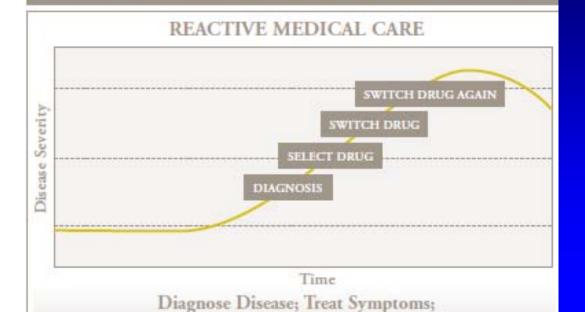
- TEHOMNKA
- ТРАНСКРИТОМИКА



- ПРОТЕОМИКА
- МЕТАБОЛОМИКА
- МИКРОБИОМИКА

«ИНТЕПРЕТОМИКА»

PERSONALIZED MEDICINE INTRODUCES A HEALTHCARE SHIFT FROM REACTIVE TO PREVENTIVE

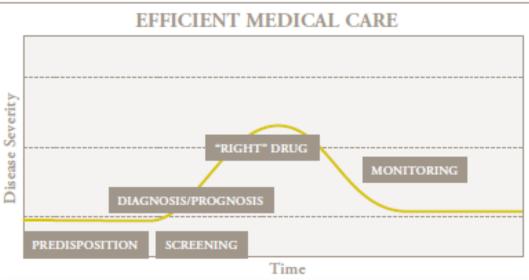


Costly, Trial and Error Treatment

А ЗАВТРА: 3-4 Р МЕДИЦИНА:

- -Предиктивная
- -Превентивная
- -Персонализированная
- -Партнерская

ОДНАКО, СЕГОДНЯ ЧАЩЕ ВСЕГО ТАК...



Health Management; Molecular Screening; Early Detection; Rapid Effective Treatment; Improved Quality of Care INTERNATIONAL CONFERENCE ON HARMONISATION OF TECHNICAL REQUIREMENTS FOR REGISTRATION OF PHARMACEUTICALS FOR HUMAN USE

ICH HARMONISED TRIPARTITE GUIDELINE

BIOMARKERS RELATED TO DRUG OR BIOTECHNOLOGY PRODUCT DEVELOPMENT: CONTEXT, STRUCTURE AND FORMAT OF QUALIFICATION SUBMISSIONS

E16

Current Step 4 version dated 20 August 2010

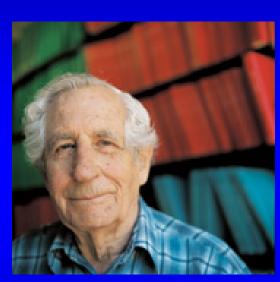
This Guideline has been developed by the appropriate ICH Expert Working Group and has been subject to consultation by the regulatory parties, in accordance with the ICH Process. At Step 4 of the Process the final draft is recommended for adoption to the regulatory bodies of the European Union, Japan and USA.

Биомаркеры при разработке ЛС: руководство ICH

Фармакогенетика- это наука, изучающая роль генетических факторов в формировании фармакологического ответа организма человека на лекарственные средства







•В 1957 году Арно Мотульский публикует статью о вкладе генетических факторов в развитии неблагоприятных лекарственных реакций.

•В 1959 году Фридрих Вогель ввел темин «фармакогенетика».
•В 1962 году Вернер Калоу опубликовал монографию «Фармакогенетика».



Парадигмой современной фармакогенетики стало положение о том, что основной формой наследственного различия между людьми является так называемый однонуклеотидный полиморфизм (SNP — single nucleotide polymorphism)

Гены-кандидаты, полиморфизмы в которых влияют на фармакологический ответ



Roots I, 2003 (с дополнениями)



О ФГБУ

Экспертная деятельность

Научная деятельность

Образовательная деятельность

РОСЗДРАВНАДЗОР

Рекомендации от 05.02.2009

«Рекомендации для фармацевтических компаний по изучению биотрансформации и транспортеров новых лекарственных средств: дизайн исследований, анализ данных и внесение информации в инструкции по применению»

Федеральная служба по надзору в сфере здравоохранения и социального развития

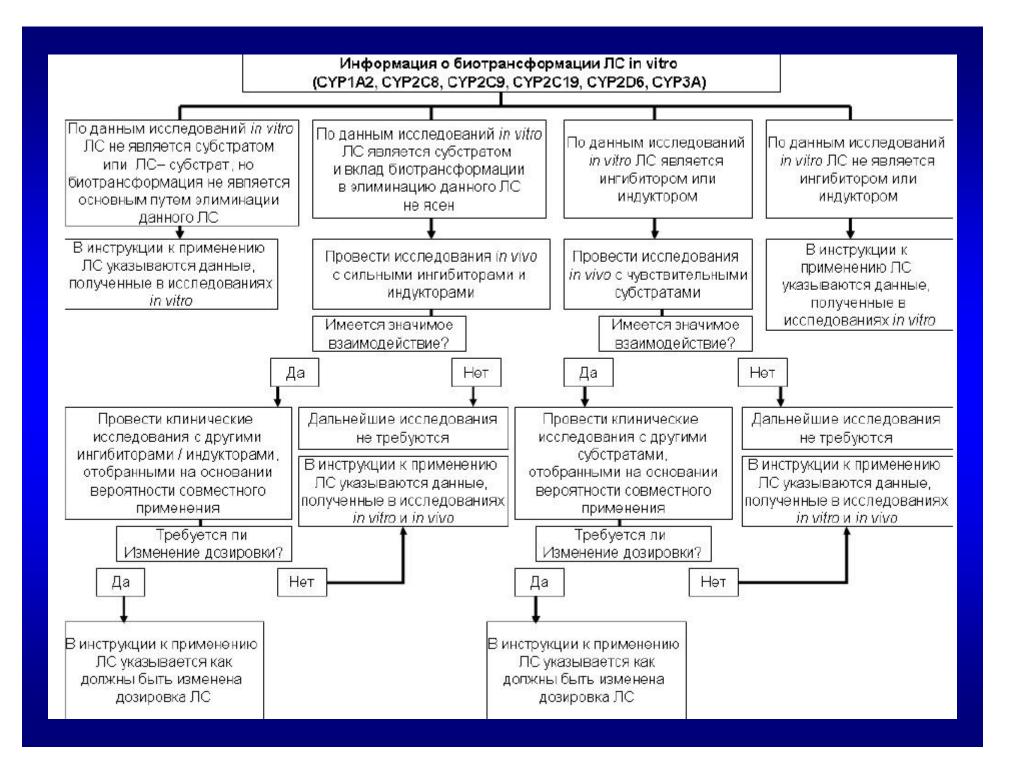
«УТВЕРЖДАЮ»

Руководичень Федеральной службы по надвору в сфере заравоохранения и социального развития

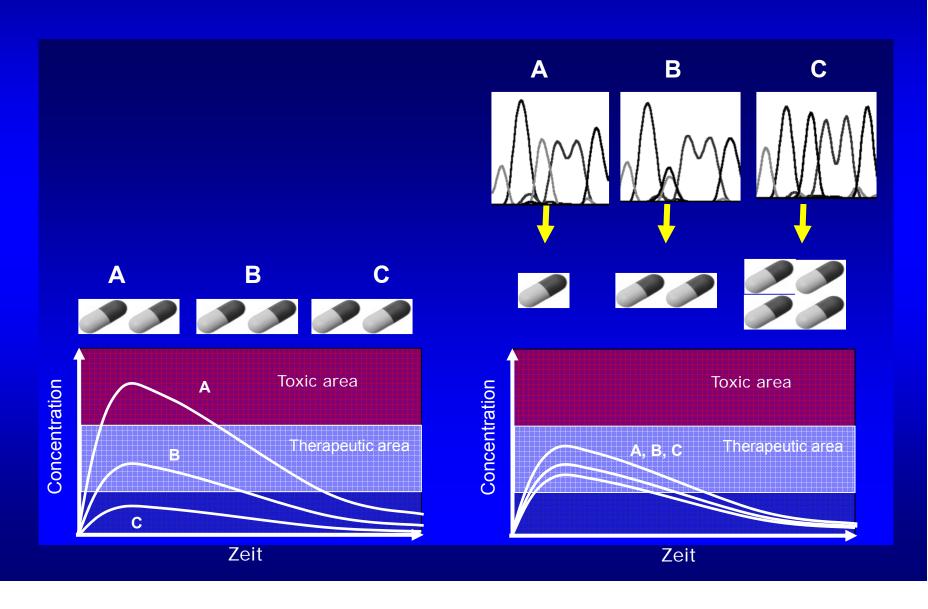
Н.В. Юргель

2009 г.

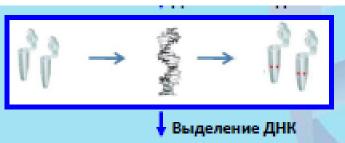
Рекомендации для фармацевтических компаний по изучению биотрансформации и транспортеров новых лекарственных средств: дизайн исследований, анализ данных и внесение информации в инструкции по применению



Персонализация фармакотерапии на основе фармакогенетического тестирования: общий принцип



Фармакогенетический тест- это выявление конкретных генотипов по однонуклеотидным полиморфизмам (генотипование пациентов), ассоциированных с изменением фармакологического ответа.





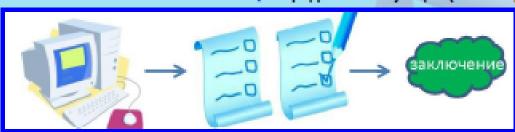
синтез праймеров



ПЦР амплификации ДНК фрагментов



Определении мутаций\полиморфизмов



Анализ полученных данных, отчет

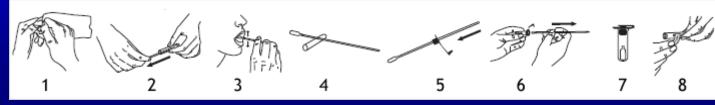
ПЦР в различных вариантах-основа ФГ тестирования

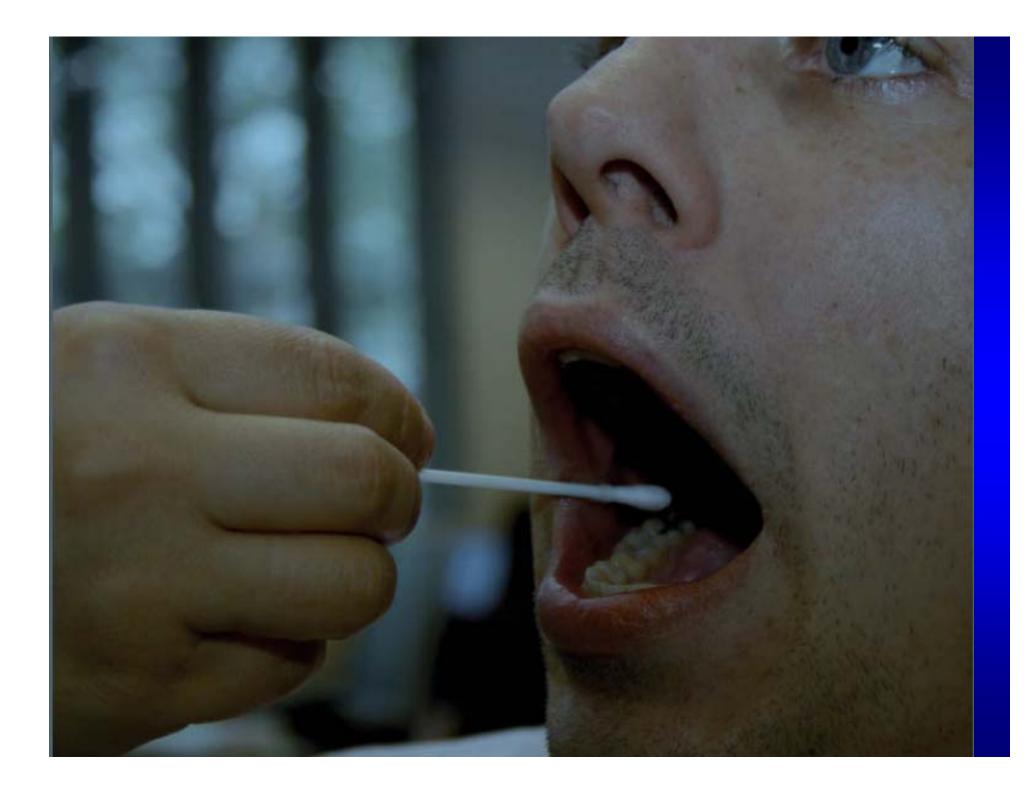


Забор биологического материала (кровь / соскоб буккального эпителия)









Вот мой генотип!





London, 15 November 2007 Doc. Ref. EMEA/CHMP/PGxWP/201914/2006

COMMITTEE FOR HUMAN MEDICINAL PRODUCTS (CHMP)

REFLECTION PAPER ON PHARMACOGENOMIC SAMPLES, TESTING AND DATA HANDLING

DRAFT AGREED BY THE PGWP WORKING PARTY	October 2006
ADOPTION BY CHMP FOR RELEASE FOR CONSULTATION	November 2006
END OF CONSULTATION (DEADLINE FOR COMMENTS)	February 2007
AGREED BY THE PGWP WORKING PARTY	October 2007
ADOPTION BY CHMP	November 2007

ФГ тестирование: позиция ЕМЕА

Фармакогенетические биомаркеры в клинических исследованиях

Guidance for Industry

Clinical Pharmacogenomics: Premarket Evaluation in Early-Phase Clinical Studies and Recommendations for Labeling

U.S. Department of Health and Human Services
Food and Drug Administration
Center for Drug Evaluation and Research (CDER)
Center for Biologics Evaluation and Research (CBER)
Center for Devices and Radiological Health (CDRH)

January 2013

Clinical Pharmacology Clinical/Medical

ФГ в КИ: позиция FDA



12 December 2011 EMA/CHMP/37646/2009 Committee for Medicinal Products for Human Use (CHMP)

Guideline on the use of pharmacogenetic methodologies in the pharmacokinetic evaluation of medicinal products

Draft Agreed by Pharmacogenomics Working Party and EWP- PK	March 2010
Adoption by CHMP for release for consultation	22 April 2010
End of consultation (deadline for comments)	31 October 2010
Agreed by Pharmacogenomics Working Party	October 2011
Adoption by CHMP	19 January 2012
Date for coming into effect	1 August 2012

This guideline replaces the Reflection Paper on the use of Pharmacogenetics in the Pharmacokinetic Evaluation of Medicinal Products (EMEA/128517/2006).

ФГ в КИ: позиция ЕМЕА

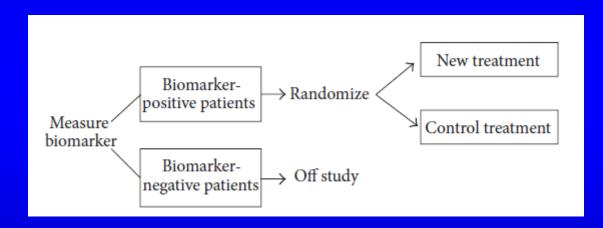




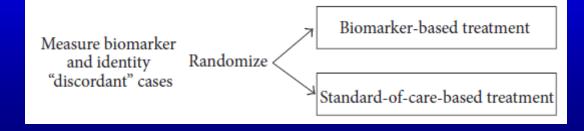
Review Article

Genomic Biomarkers for Personalized Medicine: Development and Validation in Clinical Studies

Shigeyuki Matsui



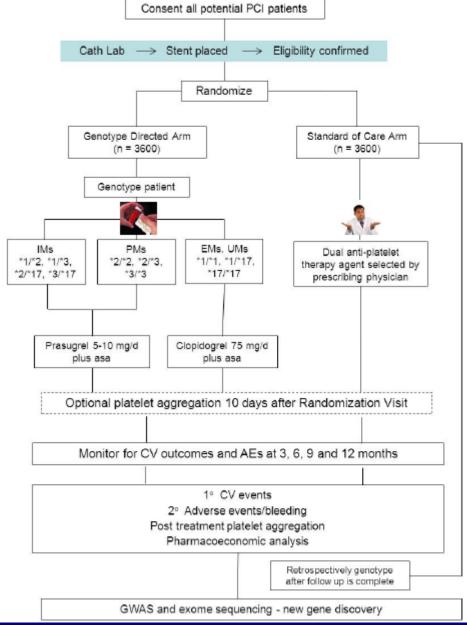
I-III фазы



IV фаза

PAPI-2 Study

Спонсор- Институт сердца, легких и крови США





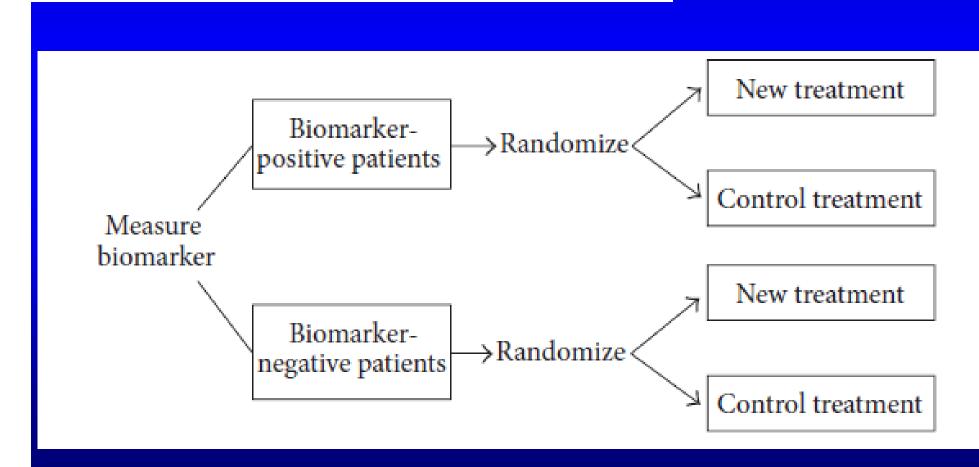




Review Article

Genomic Biomarkers for Personalized Medicine: Development and Validation in Clinical Studies

Shigeyuki Matsui



Но до клинической практике фармакогенетический тест должен пройти путь валидизации

Co-development

Marker assay validation Diagnostic kit
Analytical validation

Clinical validation Clir

Clinical utility

laboratories

Basic Research Prototype Design or Discovery

Preclinical development

Phase I

Phase II Phase III

FDA filing launch Marketing

Identification of stratification markers

feasibility

Clinical validation

label

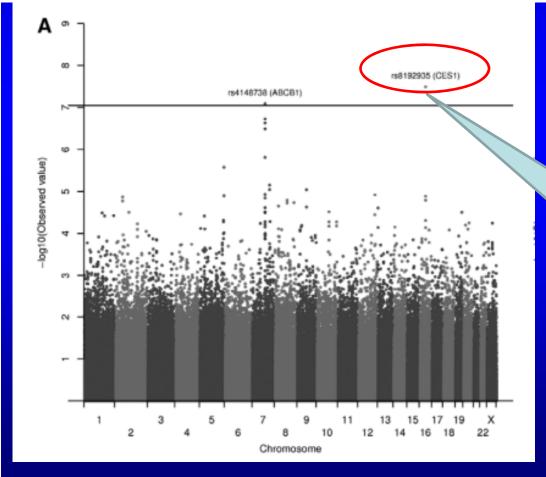
Clinical utility

«Генетический поданализ» в клинических исследованиях: источник новых фармакогенетических биомаркеров





Genetic Determinants of Dabigatran Plasma Levels and Their Relation to Bleeding Guillaume Paré, Niclas Eriksson, Thorsten Lehr, Stuart Connolly, John Eikelboom, Michael D. Ezekowitz, Tomas Axelsson, Sebastian Haertter, Jonas Oldgren, Paul Reilly, Agneta Siegbahn, Ann-Christine Syvanen, Claes Wadelius, Mia Wadelius, Heike Zimdahl-Gelling, Salim Yusuf and Lars Wallentin



Circulation. 2013;127:1404-1412

Высокая степень достоверности ассоциации между CES1 и концентрацией дабигатрана (пролекарство)





Genetic Determinants of Dabigatran Plasma Levels and Their Relation to Bleeding Guillaume Paré, Niclas Eriksson, Thorsten Lehr, Stuart Connolly, John Eikelboom, Michael D. Ezekowitz, Tomas Axelsson, Sebastian Haertter, Jonas Oldgren, Paul Reilly, Agneta Siegbahn, Ann-Christine Syvanen, Claes Wadelius, Mia Wadelius, Heike Zimdahl-Gelling, Salim Yusuf and Lars Wallentin

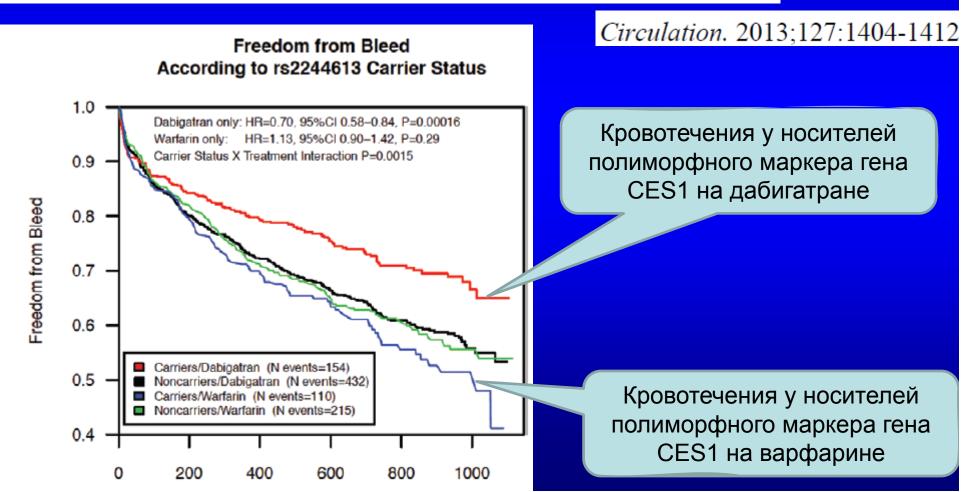


Table 7 Gene	function t	for all	panel	variants
--------------	------------	---------	-------	----------

Panel	Variants	RS number	Gene name	Gene function ^a
A	NOS3	rs3918226	Nitric oxide synthase 3	Nitric oxide synthases synthesize nitric oxide from L-arginine. Nitric oxide, a reactive-free radical, mediates neurotransmission, antimicrobial and antitumoral processes.
	SELE	rs5361	Selectin E	The endothelial protein encoded by SELE is thought to mediate cell adhesion to the vascular lining at sites of inflammation.
	ICAM1	rs1799969	Intercellular adhesion molecule 1	The cell surface glycoprotein encoded by ICAM1 binds to CD11a/CD18 or CD11b/CD18 integrins, and is expressed on endothelial and immune cells
	AGT	rs5051	Angiotensinogen	Angiotensinogen precursor, the protein encoded by this gene, is cleaved by angiotensin-converting enzyme to generate the active enzyme angiotensi II, which is involved in blood pressure regulation.
	GNAS	rs7121	Guanine nucleotide-binding protein, α-stimulating polypeptide 1	With a very complex imprinted expression pattern, the transcripts that are derived from four alternative promoters and exons from this gene are maternally, paternally, and biallelically expressed. They may regulate imprinting in the region.
В	MMP1	rs1799750	Matrix metalloproteinase 1	The secreted enzymes encoded by this gene break down interstitial collagen type I, II, and III during disease processes as well as normal processes such as tissue remodeling.
	NPPA	rs5065	Natriuretic peptide precursor A	The natriuretic proteins encoded by this gene regulate extracellular fluid volume and electrolyte homeostatis.
	PDE4D	rs6450512	Phosphodiesterase 4D	The protein encoded by this gene has 3',5'-cyclic-AMP (cAMP) phosphodiesterase activity, degrades cAMP, acting as a signal transduction molecule for various cell types.
	MMP9	rs2274756	Matrix metalloproteinase 9	The secreted enzymes encoded by this gene break down interstitial collagentype IV and V during disease processes as well as normal processes such as tissue remodeling.
	F5	rs6025	Coagulation factor V	The cofactor encoded by this gene circulates in plasma and is essential in the blood coagulation cascade.
С	AGT	rs5051	Angiotensinogen	Angiotensinogen precursor, the protein encoded by this gene, is cleaved by angiotensin-converting enzyme to generate the active enzyme angiotensin II, which is involved in blood pressure regulation.
	PON1	rs705379	Paraoxonase 1	Encodes an enzyme, arylesterase, which hydrolyzes paraoxon to form p-nitrophenol.
	MMP12	rs652438	Matrix metalloproteinase 12	The protein encoded by this gene is thought to be cleaved at both ends to produce active enzyme that breaks down elastin during disease processes as well as normal processes such as tissue remodeling.
	F12	rs1801020	Coagulation factor XII	The gene product, coagulation factor XII, circulates in the blood as a zymogen. Through a cascade of processes this factor is involved in blood coagulation, fibrinolysis, and bradykinin and angiotensin production.
	GP1BA	rs6065	Platelet glycoprotein Ib (α-polypeptide)	The platelet surface membrane glycoprotein encoded by this gene is involved in platelet activation, thrombosis, and hemostasis.
	PDE4D	rs27653	Phosphodiesterase 4D	The protein encoded by this gene has 3',5'-cAMP phosphodiesterase activity and degrades cAMP, acting as a signal transduction molecule for various cell types.
D	F2	rs1799963	Coagulation factor II	In the first step of the coagulation process, which suppresses blood loss, coagulation factor II is cleaved to form thrombin.
	PAI1	rs1799768	Plasminogen activator inhibitor 1	The product of this gene inhibits fibrinolysis through the inhibition of tissue plasminogen activator and urokinase.
	MMP7	rs11568818	Matrix metalloproteinase 7	The secreted enzymes encoded by this gene break down proteoglycans, fibronectin, elastin, and casein during disease processes as well as norma processes such as tissue remodeling.
	AGT	rs5050	Angiotensinogen	Angiotensinogen precursor, the protein encoded by this gene, is cleaved by angiotensin-converting enzyme to generate the active enzyme angiotensin II, which is involved in blood pressure regulation.
	ACE	rs4343	Angiotensin I-converting enzyme	The enzyme encoded by this gene is a catalyst in the conversion of angiotensin I into angiotensin II, which regulates blood pressure and fluid-electrolyte balance through vasopressin and aldosterone stimulation.
	MMP2	rs243865	Matrix metalloproteinase 2	The enzymes encoded by this gene break down type IV collagen, which are a structural component of basement membranes, during disease processes as well as normal processes such as tissue remodeling.

^aNational Institutes of Health/National Center for Biotechnology Information.

Gene panels to help identify subgroups at high and low risk of coronary heart disease among those randomized to antihypertensive treatment: the GenHAT study

antihypertensive treatment: the GenHAT study

Amy I. Lynch^a, John H. Eckfeldt^b, Barry R. Davis^c, Charles E. Ford^c,

Eric Boerwinkle^d, Catherine Leiendecker-Foster^b and Donna K. Arnett^a

Фармакогенетика и исследования биоэквивалентности



Contents lists available at ScienceDirect

Pharmacological Research

journal homepage: www.elsevier.com/locate/yphrs



Pharmacogenetic relevance of the CYP2C9*3 allele in a tenoxicam bioequivalence study performed on Spaniards

A.M. Peiró a,b,*,1, J. Novalbos c,d,1, P. Zapater a,b,d, R. Moreu^b, R. López-Rodríguez^{c,d}, V. Rodríguez^{c,d}, F. Abad-Santos c,d, J.F. Horga a,b,d

ФГ и биоэвивалентность теноксиками: «разброс» ФК параметров разный!

Table 2 Influence of CYP2C9 polymorphisms on the tenoxicam bioequivalence 90% classical confidence interval (IC90) (wt: wildtype, SNPg: CYP2C9*2 or CYP2C9*3).

Parameter	IC90 GLOBAL (n = 18)	IC90 C9 wt (n = 10	IC90 2C9 SNPg $(n = 8)$
$ln(AUC_{0-\infty})$	90–100%	84–105%	91–123%
$ln(C_{max})$	92–113%	86–104%	88–121%

^a Division of Pharmacology and Therapeutics, Instituto de Bioingeniería, Miguel Hernández

University, Campus de San Juan, 03550 San Juan de Alicante, Alicante, Spain ^b Division of Clinical Pharmacology, Hospital General de Alicante, 0310 Alicante, Spain

c Service of Clinical Pharmacology, Hospital Universitario de la Princesa, 28006 Madrid, Spain d Instituto Teófilo Hernando, Universidad Autónoma de Madrid, 28029 Madrid, Spain

Table 1. CYP2D6 genotypes and classification according to active genes

Genotype	Group	CYP2D6 active genes	N
(*1/*1) × 2	(II)	>2	1
*1/*1	(II)	2	32
(*1/*4) × 2	(II)	2	1
*1/*9	(II)	2	1
*1/*4	(1)	1	18
*1/*5	(1)	1	2
*1/*6	(1)	1	4
*4/*9	(1)	1	1
*3/*9	(1)	1	1
*4/*6	(0)	0	1
*4/*4	(0)	0	6

Abbreviations: (II), two or more active genes; (I), one active gene; (0), no active gene.

ORIGINAL ARTICLE

Use of pharmacogenetics in bioequivalence studies to reduce sample size: an example with mirtazapine and CYP2D6

N González-Vacarezza¹, F Abad-Santos², A Carcas-Sansuan³, P Dorado¹, E Peñas-LLedó¹, F Estévez-Carrizo⁴ and A LLerena¹

ФГ и биоэвивалентность миртазапина: можно уменьшить количество добровольцев?

Table 2. Analysis of pharmacokinetic parameters for the three groups separately, according to the number of CYP2D6 active genes ((0), (I) and (II)), for the groups including individuals in groups (0)+(I) and (I)+(II) and for the total of individuals regardless of CYP2D6 genotype

	(0) (N = 7)	(I) (N = 26)	(II) (N = 35)	(0)+(1) (N = 33)	(I)+(II) (N = 61)	Total (N = 68)
LnAUC _{0—last}						
Geometric mean (ng h ml ⁻¹)	899.2	757.8	669.4	785.8	705.8	723.6
MSE	0.00589	0.00711	0.0222	0.00655	0.0163	0.0150
CV _w (%)	7.69	8.45	15.0	8.10	12.8	12.3
CI 95%	[4.79-18.99]	[6.59–11.77]	[12.1–19.8]	[6.50-10.79]	[10.9–15.7]	[10.5-14.8]
%ª	0	9.9	95.1	5.3	66.4	59.9
/			1			
LnAUC _{0−∞}						
Geometric mean (ng h ml ⁻¹)	947.5	792.8	702.5	823.3	739.6	758.7
MSE	0.00696	0.00758	0.0219	0.00703	0.0174	0.0150
CV _w (%)	8.36	8.72	14.9	8.40	13.2	12.3
CI 95%	[5.21-20.68]	[6.81-12.16]	[12.0-19.7]	[6.73-11.18]	[11.2-16.2]	[10.5-14.8]
%ª	0	4.3	78.2	0.48	57.9	47.1
\						
LnC _{max}						
Geometric mean (ng ml ⁻¹)	80.1	81.1	70.4	80.8	74.7	75.3
MSE	0.0447	0.0481	0.0602	0.0450	0.0554	0.0532
CV _w (%)	21.4	22.2	24.9	21.5	23.9	23.4
CI 95%	[13.3-55.6]	[17.3–31.2]	[20.0-33.2]	[17.1-28.8]	[20.2-29.3]	[19.9-28.4]
%ª	0	3.7	16.4	0.47	11.7	9.3

Abbreviations: CI 95%, 95% confidence interval for CV_w; C_{max} maximum concentration; CV_w (%), intra-subject coefficient of variation; (0), subjects with no *CYP2D6* active gene; (I), subjects with one *CYP2D6* active gene; (II), subjects with two or more *CYP2D6* active genes; C_{max} log-transformed area under the concentration-time curve from 0 to the last quantifiable concentration; C_{max} log-transformed C_{max} MSE, mean squared error.

aPercentage increment with respect to group (0) C_{max} (%).

Table 1. CYP2D6 genotypes and classification according to active genes

Genotype	Group	CYP2D6 active genes	N
(*1/*1) × 2	(II)	>2	1
*1/*1	(II)	2	32
(*1/*4) × 2	(II)	2	1
*1/*9	(II)	2	1
*1/*4	(I)	1	18
*1/*5	(I)	1	2
*1/*6	(I)	1	4
*4/*9	(I)	1	1
*3/*9	(I)	1	1
*4/*6	(0)	0	1
*4/*4	(0)	0	6

ORIGINAL ARTICLE

Use of pharmacogenetics in bioequivalence studies to reduce sample size: an example with mirtazapine and CYP2D6

N González-Vacarezza¹, F Abad-Santos², A Carcas-Sansuan³, P Dorado¹, E Peñas-LLedó¹, F Estévez-Carrizo⁴ and A LLerena¹

ФГ и биоэвивалентность миртазапина: можно уменьшить количество добровольцев?

Abbreviations: (II), two or more active genes; (I), one active gene; (0), no active gene.

Table 3. Estimation of sample size of bioequivalence studies for the three groups separately, according to number of *CYP2D6* active genes ((0), (I) and (II)), for the groups including individuals in groups (0)+(I) and (I)+(II) and for the total of individuals regardless of *CYP2D6* genotype

	T/R	<i>(0)</i>	<i>(1)</i>	(11)	(0)+(1)	(I)+(II)	Total
LnAUC _{0-last}	1.05	4	4	13	4	10	9
	1.10	9	9	30	9	22	20
LnAUC _{0−∞}	1.05	4	4	13	4	10	9
	1.10	10	9	29	9	23	20
LnC _{max}	1.05	23	30	36	27	34	32
	1.10	51	66	81	61	76	72

Abbreviations: C_{max} , maximum concentration; EM, extensive metabolizer subjects (I)+(II); $\text{LnAUC}_{0-\text{last}}$, $\text{log-transformed area under the concentration-time curve from 0 to the last quantifiable concentration; <math>\text{LnAUC}_{0-\infty}$, $\text{log-transformed AUC}_{0-\infty}$.

Sample size estimated with the formula II indicated in Figure 2, for Test:Reference ratios of 1.05 (or 0.95) and 1.10 (or 0.90). (0), poor metabolizer subjects; (I), subjects with one active gene; (II), subjects with two active genes.

МИНИСТЕРСТВО ЗДРАВООХРАНЕНИЯ И СОЦИАЛЬНОГО РАЗВИТИЯ РОССИЙСКОЙ ФЕДЕРАЦИИ

ФЕДЕРАЛЬНАЯ СЛУЖБА ПО НАДЗОРУ В СФЕРЕ ЗДРАВООХРАНЕНИЯ И СОЦИАЛЬНОГО РАЗВИТИЯ

ФЕДЕРАЛЬНОЕ ГОСУДАРСТВЕННОЕ УЧРЕЖДЕНИЕ «НАУЧНЫЙ ЦЕНТР ЭКСПЕРТИЗЫ СРЕДСТВ МЕДИЦИНСКОГО ПРИМЕНЕНИЯ»

УТВЕРЖДАЮ

ЗАМЕСТИТЕЛЬ МИНИСТРА ЗДРАВООХРАНЕНИЯ И СОЦИАЛЬНОГО РАЗВИТИЯ РОССИЙСКОЙ ФЕДЕРАЦИИ

рофессор ______ Р.А. ХАЛЬФИН

ОЦЕНКА БИОЭКВИВАЛЕНТНОСТИ ЛЕКАРСТВЕННЫХ СРЕДСТВ

Методические указания

3.7. Скрининговое обследование добровольцев до начала исследований

После подписания информированного согласия проводится клиническое и параклиническое обследование добровольцев, включающее врачебный осмотр с учетом особенностей ожидаемого действия изучаемого лекарственного средства, а также следующие лабораторные тесты:

Если известно, что исследуемое лекарственное вещество подвергается биотрансформации, контролируемой генетически полиморфными изоферментами цитохрома P-450 (CYP2C9, CYP2C19, CYP2D6), для снижения вариабельности фармакокинетических параметров целесообразно генотипирование добровольцев с целью исключения участия в исследовании лиц с генотипами "медленного" и "быстрого" метаболизма.

Фармакогенетика: «спасение» оригинальных лекарств

Genome-wide pharmacogenetic investigation of a hepatic adverse event without clinical signs of immunopathology suggests an underlying immune pathogenesis

ФГ: спасение ксимелагатрана?

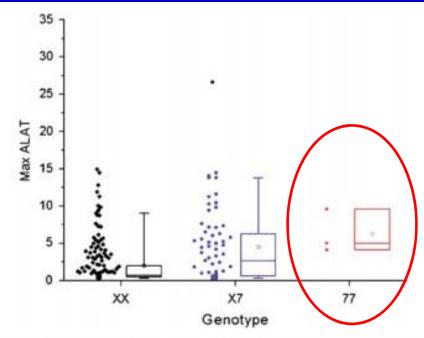


Figure 3 DRB1*0701 genotypes versus maximum ALAT (in units of xULN) in all samples from EXGEN. Subjects designated as 'XX' carry two alleles of DRB1 that are not DRB1*0701, as 'X7' are heterozygous for DRB1*0701, and as '77' are homozygous for DRB1*0701. The scatter plots show the maximum ALAT in each genotype group, demonstrating the overlap in ALAT measurements between individuals in different genotype groups. The box-whisker plots (in which the box represents the 25th–75th percentiles of the distribution, the whiskers extend to 5th and 95th percentiles, the central line the median and the small square the mean) demonstrate that the means and distributions of maximum ALAT clearly differ between the genotype groups, with a trend towards increased maximum ALAT with increased copy number of DRB1*0701.

Регламентация использования в клинике: клинические руководства и инструкции

Фармакогенетическое тестирование для повышения эффективности / безопасности особенно необходимо в следующих клинических ситуациях:

КАКИМ ДОЛЖНО БЫТЬ ЛС?

- Безальтернативное ЛС
- ЛС с большим спектром и выраженностью нежелательных лекарственных реакций
- При длительном применении ЛС (сердечно-сосудистые, психотропные ЛС, гормональные препараты и т.д.)
- ЛС с узкой терапевтической широтой

КАКИМ ДОЛЖЕН БЫТЬ ПАЦИЕНТ?

- Пациент из группы риска развития неблагоприятных побочных реакций
- С наследственным анамнезом по неблагоприятной побочной реакции

CHEST

Official publication of the American College of Chest Physicians

Evidence-Based Management of Anticoagulant Therapy: Antithrombotic Therapy and Prevention of Thrombosis, 9th ed: American College of Chest Physicians Evidence-Based Clinical Practice Guidelines

Anne Holbrook, Sam Schulman, Daniel M. Witt, Per Olav Vandvik, Jason Fish, Michael J. Kovacs, Peter J. Svensson, David L. Veenstra, Mark Crowther and Gordon H. Guyatt

Chest 2012;141;e152S-e184S DOI 10.1378/chest.11-2295

2.2. For patients initiating VKA therapy, we recommend against the routine use of pharmacogenetic testing for guiding doses of VKA (Grade 1B).





Всероссийское научное общество специалистов по клинической электрофизиологии, аритмологии и кардиостимуляции

ПРОЕКТ

ДИАГНОСТИКА И ЛЕЧЕНИЕ ФИБРИЛЛЯЦИИ ПРЕДСЕРДИЙ. Рекомендации ВНОК и ВНОА, 2011 г.

«ФГ тестирование может быть оправдано у пациентов с высоким риском кровотечений...»

Принят ВНОК в октябре 2012

Таблица 10. Шкала оценки риска кровотечений HAS-BLED

Буква*	Клиническая характеристика ^а	Число баллов
Н	Артериальная гипертония	1
Α	Нарушение функции печени или почек (по 1 баллу)	1 или 2
S	Инсульт	1
В	Кровотечение	1
L	Лабильное МНО	1
Е	Возраст >65 лет	1
D	Прием некоторых лекарств или алкоголя (по 1 баллу)	1 или 2
		Максимум 9 баллов

Варфарин: безальтернативное лекарство?

ВАРФАРИН

Апиксабан Ривароксабан Дабигатран

Эффективнее и безопаснее?

Не нужен коагуологический контроль (МНО и т.д.) и сложный подбор дозы

Эффективность и безопасность не зависит от генотипа

ROCKET AF:

частота инсульта на варфарине- 2,2%, ривароксабане- 1,7% (p<0,001), NNT-200, значимые кровотечения на варфарине- 14,5%, на ривороксабане- 14,9% (p=0,44)

- •Ограниченные показания
- •Межлекарственное взаимодействие?
- •Дозирование при нарушениях функции почек?
- •Коагулогический контроль?
- •Антидоты?

Показания для фармакогенетическое тестирования по СҮР2С19 для прогнозирования резистентности к клопидогрелу: официальная позиция

- •Фармакогенетическое тестирование по CYP2C19 нецелесообразно для всех пациентов, получающих клопидогрел (АНА 2011: класс III, уровень доказательности С).
- •Ситуации, при которых желательно проводить фармакогенетическое тестирование по СҮР2С19 (АНА 2011: класс IIb, уровень доказательности С. ESC 2011: класс IIb, уровень В)
- вмешательства на незащищенном стволе ЛКА (АНА 2011),
- бифуркационный стеноз ствола ЛКА (АНА 2011),
- стеноз единственной проходимой коронарной артерии (АНА 2011),
- повторные ЧКВ (АНА 2011),
- тромбоз стента в анамнезе (СРІС 2011),
- клинические факторы высокого риска (ОКС, сахарный диабет, хроническая почечная недостаточность) (CPIC 2011).

Лекарственные средства, для которых FDA регламентировало внесение ФГ информации в инструкции (2012) (1)

- непрямые антикоагулятны: варфарина, аценокумарола (определение полиморфизмов генов *CYP2C9* и *VKORC1*)
- клопидогрел / празугрел (СҮР2С19)
- антидепрессанты (флуоксетин) и нейролептики (определение полиморфизмов гена *CYP2D6*)
- изониазид, пиразинамид, рифампицин (определение полиморфизмов гена *NAT2*)
- оральные контрацевтивы (определение т.н. «мутации Лейдена» в гене V фактора свертывания)
- кодеин (СҮР2D6)
- целекоксиб (СҮР2С9)
- аторвастатин (рецепторы LDL)
- атомоксетин (определение полиморфизмов гена *CYP2D6*)
- вориконазол (определение полиморфизмов гена СҮР2С19)
- карбамазепин (определение полиморфного маркера *HLA-B*1502*)

Лекарственные средства, для которых FDA регламентировало внесение ФГ информации в инструкции (2012) (2)

- абакавир (определение полиморфного маркера *HLA-B*5701*)
- азатиаприн, 6-меркаптопурин (определение полиморфизмов гена *TPMT*)
- разбуриказа, примахин (Г-6-ФДГ)
- иринотекан (определение полиморфизма гена *UGT1A1*)
- капецитабин (DPD)
- иматиниб, эрлотиниб, цетуксимаб, трастазумаб, маравирок, леналидомид, ранитумумаб, дазатиниб, нилотиниб, бусулфан (выявление экспрессии определенных генов в опухолевой ткани)

Диапазоны возможных колебаний поддерживающей дозы варфарина в зависимости от результатов ФГ тестирования (инструкция, утвержденная FDA)

Генотип	Генотип СҮР2С9					
VKORC1	*1/*1	*1/*2	*1/*3	*2/*2	*2/*3	*3/*3
GG	5-7 мг	5-7 мг	3–4 мг	3–4 мг	3–4 мг	0,5-2 мг
AG	5-7 мг	3-4 мг	3–4 мг	3–4 мг	0,5–2 мг	0,5–2 мг
AA	3-4 мг	3–4 мг	0,5-2 мг	0,5-2 мг	0,5–2 мг	0,5-2 мг





Need for Pharmacogenomic Information Also for Generic Medications;
Recommendation of the European Society of Pharmacogenomics and Theranostics (ESPT)

III. Call

The ESPT calls for a harmonized and consensus-based approach to an updatable drug labeling of generic versions for pharmacogenomic information, as is the case for the original drug. This requirement is, undoubtedly, not limited to Clopidogrel and should be extrapolated to all medications which are marketed as both branded and generic versions.

ФГ тестирование: внедрение в клиническую практику



NAVAGATE: a rubric to move from pharmacogenomics science to pharmacogenomics practice

Mary W Roederer

Institute for Pharmacogenomics & Individualized Therapy, UNC Eshelman School of Pharmacy, Department of Family Medicine, University of North Carolina at Chapel Hill, 120 Mason Farm Road, Campus Box 7361, Chapel Hill, NC 27599-7361, USA
Tel.: +1 919 966 1020
Fax: +1 919 966 5863

Необходимость

- Лекарство необходимо пациенту?

Альтернативы

- Существуют ли альтернативные методы лечения?

Валидизация ФГ теста

- Есть регламентация использования (FDA, EMA, M3)
- -Разработанная схема поступления биологического материала и выдача заключений

Соответствующие сроки выполнения ФГ теста

- Будет ли результат ФГ теста представлен в клинически значимые сроки?

Хорошее доказательство эффективности ФГ тестирования

- Есть ли алгоритмы клинической интерпретации ФГ тестирования?
- Изменение дозирования, мониторинг эффективности и безопасности?

Доступность и востребованность

- Лаборатории с поставленными ФГ тестами
- Востребованность врачами / пациентами

Кто Платит за ФГ тест?

- Как пациент будет платить за ФГ тест?

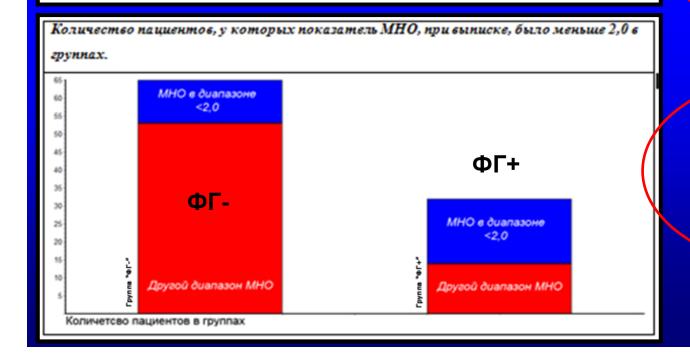
Оценка результатов и документов

- Как будет документироваться результат ФГ тестирования в медицинских картах или электронных медицинских записей?

ЭФФЕКТИВНОСТЬ ФАРМАКОГЕНЕТИЧЕСКОГО ТЕСТИРОВАНИЯ В МНОГОПРОФИЛЬНОМ СТАЦИОНАРЕ (1)

Количество пациентов, у которых показатель МНО, при выписке, было меньше 2,0 в группах.						
P=0.0003;	МНО меньше	МНО в другом				
Od=0,1761;	2,0	диапазоне				
Xu=12,619						
«ФГ-», n=65	12 (18,4%)	53 (81,6%)				
«ΦΓ+», n=32	18 (56,3%)	14 (43,7%)				

НЕ БЫЛО АКТИВНОГО УЧАСТИЯ ВРАЧА-КЛИНИЧЕСКОГО ФАРМАКОЛОГА!!!



ПЕРЕОЦЕНКА ФГ ВРАЧАМИ! ВЫПИСЫВАНИЕ В СООТВЕТСТВИИ С МЭС!

> Кукес И.В., Казаков Р.Е., Сычев Д.А., 2013

ЭФФЕКТИВНОСТЬ ФАРМАКОГЕНЕТИЧЕСКОГО ТЕСТИРОВАНИЯ В МНОГОПРОФИЛЬНОМ СТАЦИОНАРЕ (2)





Кукес И.В., Казаков Р.Е.,

Сычев Д.А., 2013

ФАРМАКОГЕНЕТИЧЕСКОЕ ТЕСТИРОВАНИЕ СНИЖАЕТ ДЛИТЕЛЬНОСТЬ ГОСПИТАЛИЗАЦИИ ПАЦИЕНТОВ ТОЛЬКО ПРИ УСЛОВИИ АДЕКВАТНОГО ДОЗИРОВАНИЯ ПОД КОНТРОЛЕМ МНО- ПРИ ДОСТИЖЕНИИ ТЕРАПЕВТИЧЕСКИХ ЗНАЧЕНИЙ (2-3)!!!

Приказ Министра здравоохранения РФ

№1022 от 22.11.10

«Об утверждении Порядка оказания медицинской помощи населению по профилю «Клиническая фармакология»

«Решение о направлении пациента на консультацию к врачу- клиническому фармакологу принимается лечащим врачом в следующих случаях:

. . .

Подозрение на наличие и / или выявление фармакогенетических особенностей пациента»

В таких условиях клинический фармаколог должен решать два вопроса относительно ФГ тестирования:

1. Кому ФГ тестирование выполнять (ПОКАЗАНИЯ)?

2. Как интерпретировать результат ФГ тестирования?



Лаборатория ФГ





Лечащий врач

Пациент



АРХИВ БАНКА ДОКУМЕНТОВ САЙТА МИНЗДРАВСОЦРАЗВИТИЯ РОССИИ



РЕМИРИЗО

← ВЕРНУТЬСЯ ИЗ БАНКА ДОКУМЕНТОВ НА САЙТ

ПОИСК ДОКУМЕНТОВ \rightarrow

Стандарты оказания медицинской помощи

<u>ПРОЕКТЫ</u>
<u>СТАНДАРТОВ</u>

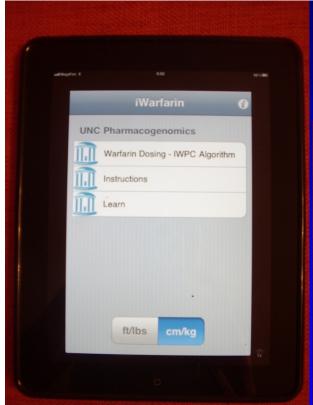
<u>МЕДИЦИНСКОЙ</u>

<u>ПОМОЩИ</u>/

Проекты стандартов медицинской помощи по кардиологии — «Стандарты медицинской помощи по кардиологии»

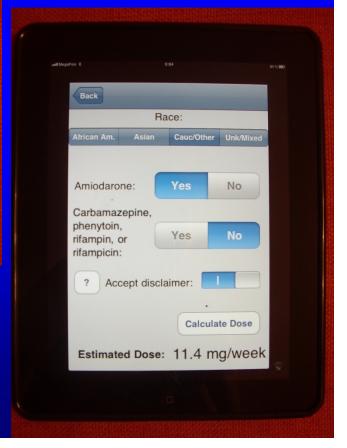
- © Стандарт специализированной медицинской помощи больным с острым и повторным инфарктом миокарда с подъемом сегмента ST электрокардиограммы (.doc, 331 Кб)
- [□] Стандарт специализированной медицинской помощи <u>больным с нестабильной стенокардией, острым и</u> <u>повторным инфарктом миокарда без подъема сегмента ST</u> <u>электрокардиограммы</u> (.doc, 338 Кб)
- <u>Стандарт медицинской помощи больным с сердечной недостаточностью</u> (.doc, 589 Кб)
- 🛮 <u>Состав рабочей группы по кардиологии</u> (.doc, 38 Кб)

Формирование компетенций...



ФГ калькулятор для мобильных устройств

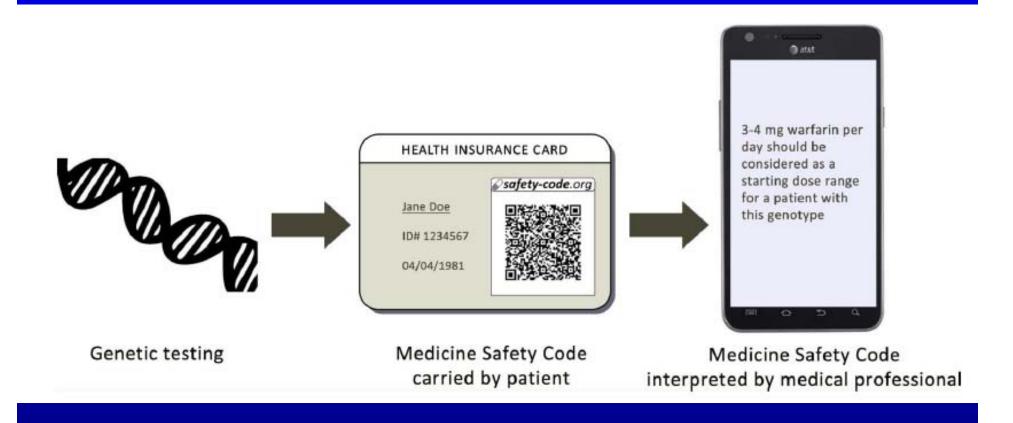




Brief communication

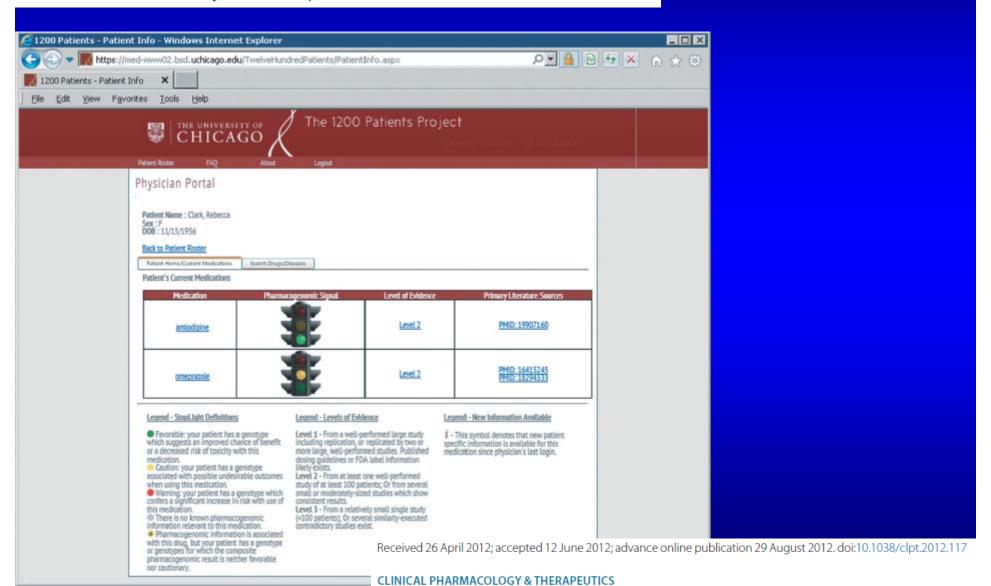
Pharmacogenomics in the pocket of every patient? A prototype based on quick response codes

Matthias Samwald, 1,2 Klaus-Peter Adlassnig 1,3



The 1200 Patients Project: Creating a New Medical Model System for Clinical Implementation of Pharmacogenomics

PH O'Donnell^{1,2,3}, A Bush³, J Spitz³, K Danahey⁴, D Saner⁴, S Das^{2,5}, NJ Cox^{1,2,3,5} and MJ Ratain^{1,2,3}





Профессор James P.Evans (США):

«Мы опасаемся, что если мы будем некритичны и наивны в нашем энтузиазме по поводу этих прогрессивных технологий, мы рискуем утратить их ценный потенциал преждевременным внедрением с причинением вреда пациентам, с одной стороны, и ущербом для всей медицинской геномики с другой стороны»

«Самый мощный предсказатель эффективности и безопасности лекарства, зависит от генетики в меньшей степени, чем от правильности применения лекарства у пациентов»

Genomics. Deflating the genomic bubble.

Evans JP, Meslin EM, Marteau TM, Caulfield T. Science. 2011 Feb 18;331(6019):861-2.

Комментарий к статье на русском: http://echo.msk.ru/programs/granit/753546-echo/



ВЫВОДЫ

- Технологии персонализированной медицины активно используются при проведении КИ, что уже получило регламентацию
- Технологии персонализированной медицины могут использоваться для применении определенных ЛС для определенных категорий пациентов, что позволит повысить эффективность и безопасность фармакотерапии

